

Juni
2017



INSTAND

Ringversuche geschlossen

Information zu
Probeneigenschaften

Prof. Dr. Heinz Zeichhardt

Dr. Martin Kammel

Herausgegeben von:

INSTAND

Gesellschaft zur Förderung
der Qualitätssicherung
in medizinischen Laboratorien e.V.

Düsseldorf/Berlin, 26.07.2017

Virologische INSTAND-Ringversuche

in Zusammenarbeit mit:

Deutscher Vereinigung zur Bekämpfung der Viruskrankheiten e.V. (DVV)

Gesellschaft für Virologie e.V. (GfV)

Deutsche Gesellschaft für Hygiene und Mikrobiologie e.V. (DGHM)

Ringversuchsleiter:

Univ.-Prof. i. R. Dr. Heinz Zeichhardt
Charité - Universitätsmedizin Berlin

Korrespondenzadresse:

Prof. Dr. Heinz Zeichhardt
Institut für Qualitätssicherung in der Virusdiagnostik - IQVD
Potsdamer Chaussee 80, 14129 Berlin
Tel.: +49-(0)30-81054-300; Fax: +49-(0)30-81054-303
Email: Heinz.Zeichhardt@iqvd.de

Stellvertretender Ringversuchsleiter:

Dr. Martin Kammel
c/o INSTAND e.V.
Uwierstr. 20, 40223 Düsseldorf
Tel.: +49-(0)30-81054-300; Fax: +49-(0)30-81054-303
Email: M.Kammel@iqvd.de

Durchgeführt von:

INSTAND e.V.

Uwierstr. 20

40223 Düsseldorf

Tel.: +49 (0)211 - 1592 13 0

Fax: +49 (0)211 - 1592 1330

Email: instand@instand-ev.de

Internet: www.instand-ev.de

**INSTAND-Ringversuche – Juni 2017
Virusimmunologie
Virusgenom-Nachweis**

**Information
zu
Probeneigenschaften**

Sehr geehrte Frau Kollegin, sehr geehrter Herr Kollege,

Sie haben sich an einem oder mehreren der virologischen INSTAND-Ringversuche im Juni 2017 angemeldet.

Die INSTAND-Ringversuche – Juni 2017 zur Virusimmunologie und zum Virusgenom-Nachweis sind mittlerweile geschlossen.

Bevor Sie die gewohnte Vorauswertung zusammen mit Teilnahmedokumenten (Zertifikat über die erfolgreiche Teilnahme, Teilnahmebescheinigung, individuelle Ergebnismitteilung) erhalten, möchten wir Ihnen schon heute Informationen zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen - vor allem zu den Probeneigenschaften - zusenden.

Bitte beachten Sie, dass Angaben zu

- **Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und**
 - **endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben**
- erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

Für Rückfragen stehen wir Ihnen gerne zur Verfügung.

Prof. Dr. H. Zeichhardt

Dr. M. Kammel

**Tabelle 1: Ringversuche Virusimmunologie - Juni 2017
Probeneigenschaften**

| Ringversuch | Gruppe | RiliBÄK | Analyt | Probe | Proben-Eigenschaften | | |
|---|--------|---------------|---------------|--------|---|---------------|---|
| | | | | | qualitativ | Verdünnung | Probenherkunft |
| Cytomegalievirus (Ak) Serum | 351 | B 2-konform | Anti-CMV-IgG | 351057 | positiv Avidität: hoch | | alte CMV-Infektion (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-CMV-IgM | | negativ | | |
| | | | Anti-CMV-IgG | 351058 | positiv Avidität: hoch/ uneinheitliche Ergebnisse; Bewertung folgt | | alte CMV-Infektion (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-CMV-IgM | | negativ | | |
| Epstein Barr Virus (Ak) Serum | 352 | B 2-konform | Anti-EBV-IgG | 352029 | <i>Die Sollwerte werden für beide Proben in dem detaillierten Bericht mitgeteilt.</i> | | abgelaufene EBV- Infektion (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-EBV-IgM | | | | |
| | | | Anti-EBV-IgG | 352030 | | | abgelaufene EBV- Infektion (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-EBV-IgM | | | | |
| FSME-Virus (Ak) Serum | 358 | B 2-konform | Anti-FSME-IgG | 358029 | positiv / grenzwertig Avidität: o. Bewertung | | zurückliegende FSME- Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender) |
| | | | Anti-FSME-IgM | | negativ | | |
| | | | Anti-FSME-IgG | 358030 | negativ Avidität: keine | | negativer Blutspender |
| | | | Anti-FSME-IgM | | negativ | | |
| Hepatitis A Virus (Ak) Serum | 343 | B 2-pflichtig | Anti-HAV | 343113 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | 1 : 380 | Anti-HAV-IgG positiver gesunder Blutspender |
| | | | Anti-HAV | 343114 | negativ <i>Sollwert folgt</i> | | negative Blutspender (Pool) |
| | | | Anti-HAV-IgM | 343115 | positiv | 1 : 10 | akute Hepatitis A |
| | | | Anti-HAV-IgM | 343116 | negativ | | negative Blutspender (Pool) |
| Hepatitis B Virus (Prog. 1) (HBsAg Anti-HBs Anti-HBc) Serum | 344 | B 3-pflichtig | HBsAg | 344337 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (a) 1 : 600 | chronische Hepatitis B |
| | | | HBsAg | 344338 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (a) 1 : 1 800 | |
| | | | HBsAg | 344339 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (a) 1 : 200 | |
| | | | HBsAg | 344340 | negativ <i>Sollwert folgt</i> | | negative Blutspender (Pool) |
| | | B 2-pflichtig | Anti-HBs | 344341 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (b) 1 : 600 | Anti-HBs positiver gesunder Blutspender |
| | | | Anti-HBs | 344342 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (b) 1 : 150 | |
| | | | Anti-HBs | 344343 | negativ <i>Sollwert folgt</i> | | negative Blutspender (Pool) |
| | | | Anti-HBs | 344344 | positiv <i>Sollwert folgt</i> | (b) 1 : 300 | Anti-HBs positiver gesunder Blutspender |
| | | B 2-pflichtig | Anti-HBc | 344345 | positiv | (c) 1 : 800 | chronische Hepatitis B (HBeAg negativ; Anti-HBc-IgM negativ) |
| | | | Anti-HBc | 344346 | positiv | (c) 1 : 1 600 | |
| | | | Anti-HBc | 344347 | positiv | (c) 1 : 400 | |
| | | | Anti-HBc | 344348 | negativ | | negative Blutspender (Pool) |

a, b, c: Für die angegebenen Verdünnungen der entsprechenden Proben wurde jeweils dasselbe Ausgangsmaterial verwendet.
Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 1 (Forts.): Ringversuche Virusimmunologie - Juni 2017
Probeneigenschaften**

| Ringversuch | Gruppe | RiliBÄK | Analyt | Probe | Proben-Eigenschaften | | |
|---|----------|---------------------------------|------------------------------|----------|--|----------------|--|
| | | | | | qualitativ | Verdünnung | Probenherkunft |
| Hepatitis B Virus (Prog. 2) (Anti-HBc-IgM HBeAg Anti-HBe) Serum | 345 | B 2-pflichtig | Anti-HBc-IgM | 345169 | negativ | | negative Blutspender (Pool) |
| | | | Anti-HBc-IgM | 345170 | positiv | 1 : 60 | akute Hepatitis B |
| | | B 3-pflichtig | HBeAg | 345171 | negativ | | negative Blutspender (Pool) |
| | | | HBeAg | 345172 | positiv | 1 : 750 | chronische Hepatitis B |
| B 2-pflichtig | Anti-HBe | 345173 | negativ | | negative Blutspender (Pool) | | |
| | Anti-HBe | 345174 | positiv | 1 : 90 | chronische Hepatitis B (HBeAg negativ) | | |
| Hepatitis C Virus (Ak und HCV-Ag) Serum* Plasma** | 346 | Anti-HCV | Anti-HCV HCV-Antigen | 346113** | positiv positiv | (d) 1 : 60 | chronische Hepatitis C (Subtyp 1b) |
| | | B 2-pflichtig | Anti-HCV HCV-Antigen | 346114** | positiv positiv | (d) 1 : 30 | |
| | | | Anti-HCV HCV-Antigen | 346115* | negativ negativ | | negative Blutspender (Pool) |
| | | HCV-Ag B 3-pflichtig | Anti-HCV HCV-Antigen | 346116* | positiv negativ | 1 : 15 | Zustand nach chronischer Hepatitis C (Subtyp 1b) (erfolgreich therapiert) |
| Hepatitis D Virus (Ak) Serum | 347 | <i>B 2-konform</i> | Anti-HDV-IgG Anti-HDV-IgM | 347029 | negativ nicht bewertet | | negativer Blutspender |
| | | | Anti-HDV-IgG Anti-HDV-IgM | 347030 | positiv nicht bewertet | 1 : 3 500 | chronische Hepatitis D |
| Hepatitis E Virus (Ak) Serum | 348 | <i>B 2-konform</i> | Anti-HEV-IgG Anti-HEV-IgM | 348029 | positiv positiv | 1 : 2 | akute Hepatitis E-Infektion |
| | | | Anti-HEV-IgG Anti-HEV-IgM | 348030 | positiv negativ | | alte Hepatitis E |
| Herpes simplex Viren (Ak) Serum | 354 | <i>B 2-konform</i> | Anti-HSV-IgG Anti-HSV-IgM | 354029 | positiv/grenzwertig negativ | | abgelaufene HSV-1-Infektion (ein gesunder Blutspender) |
| | | | Anti-HSV-IgG Anti-HSV-IgM | 354030 | negativ negativ Teste für Anti- HSV 1/2-IgM nicht bewertet | | negativer Blutspender |
| HIV-1/ HIV-2 (Ak) Serum | 335 | B 2-pflichtig | Anti-HIV-1 | 335113 | positiv | (e) 1 : 60 | HIV-1-Infektion |
| | | | Anti-HIV-1/2 | 335114 | negativ | | negative Blutspender (Pool) |
| | | | Anti-HIV-1 | 335115 | positiv | (e) 1 : 240 | HIV-1-Infektion |
| | | | Anti-HIV-1 | 335116 | positiv | (e) 1 : 120 | |
| HIV-1 p24 Ag Serum | 337 | B 3-pflichtig | p24 Ag | 337057 | positiv | (f) 1 : 32 500 | HIV-1-Infektion (gespikter Serumpool von negativen Blutspendern; HIV-1 hitzeinaktiviert) |
| | | | p24 Ag | 337058 | positiv | (f) 1 : 65 000 | |
| HTLV-1/ HTLV-2 (Ak) Serum* Plasma** | 339 | <i>B 2-konform</i> | Anti-HTLV-1 | 339033** | positiv | 1 : 500 | HTLV-1-Infektion |
| | | | Anti-HTLV-1 | 339034* | positiv | 1 : 300 | HTLV-1-Infektion |
| | | | Anti-HTLV-2 | 339035** | positiv | 1 : 4 | HTLV-2-Infektion |
| | | | Anti-HTLV-1/2 | 339036** | negativ | | negativer Blutspender |

d, e, f: Für die angegebenen Verdünnungen der entsprechenden Proben wurde jeweils dasselbe Ausgangsmaterial verwendet.
Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 1 (Forts.): Ringversuche Virusimmunologie - Juni 2017
Probeneigenschaften**

| Ringversuch | Gruppe | RiliBÄK | Analyt | Probe | Proben-Eigenschaften | | | | |
|---|---------|-----------------|--|-----------------------|--|-----------------------|--|--|--|
| | | | | | qualitativ | Verdünnung | Probenherkunft | | |
| Masernvirus (Ak) Serum | 357 | B 2-konform | Anti-Masern-IgG | 357029 | positiv | | zurückliegende Masern-Infektion/Impfung (zwei gesunde Blutspender) | | |
| | | | Anti-Masern-IgM | | Avidität: hoch | | | | |
| | | | Anti-Masern-IgG | 357030 | positiv | | | zurückliegende Masern-Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender) | |
| | | | Anti-Masern-IgM | | Avidität: hoch | | | | |
| Mumpsvirus (Ak) Serum | 356 | B 2-konform | Anti-Mumps-IgG | 356029 | positiv | | zurückliegende Mumps-Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender) | | |
| | | | Anti-Mumps-IgM | | Avidität: hoch | | | | |
| | | | Anti-Mumps-IgG | 356030 | positiv | | | zurückliegende Mumps-Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender) | |
| | | | Anti-Mumps-IgM | | Avidität: hoch | | | | |
| Parvovirus B19 (Ak) Serum* Plasma** | 342 | B 2-konform | Anti-Parvo B19-IgG | 342057* | positiv | | zurückliegende Parvo B19-Infektion (ein gesunder Blutspender) | | |
| | | | Anti-Parvo B19-IgM | | Avidität: hoch | | | | |
| | | | Anti-Parvo B19-IgG | 342058* | negativ | | | negativer Blutspender | |
| | | | Anti-Parvo B19-IgM | | Avidität: keine | | | | |
| | | | Anti-Parvo B19-IgG | 342059* | positiv | | | | zurückliegende Parvo B19-Infektion (ein gesunder Blutspender) |
| | | | Anti-Parvo B19-IgM | | Avidität: hoch/ Intermediär/ keine Aussage möglich | | | | |
| | | | Anti-Parvo B19-IgM | | negativ | | | | |
| Anti-Parvo B19-IgG | 342060* | negativ | Seren negativer Blutspender (Pool) | | | | | | |
| Anti-Parvo B19-IgM | | Avidität: keine | | | | | | | |
| Anti-Parvo B19-IgM | negativ | | | | | | | | |
| Rötelnvirus (Ak) Serum | 341 | B 2-pflichtig | | Titer HHT / HiG | 341029 | <i>Sollwert folgt</i> | | zurückliegende Röteln-Infektion/Impfung (zwei gesunde Blutspender) | |
| | | | | Anti-Röteln-IgG | | positiv | | | |
| | | | | Anti-Röteln-IgM | | <i>Sollwert folgt</i> | | | |
| | | | | Titer HHT / HiG | 341030 | <i>Sollwert folgt</i> | | | zurückliegende Röteln-Infektion/Impfung (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-Röteln-IgG | positiv | | | | | |
| | | | Anti-Röteln-IgM | <i>Sollwert folgt</i> | | | | | |
| Anti-Röteln-IgG | 341030 | positiv | zurückliegende Röteln-Infektion/Impfung (zwei gesunde Blutspender) | | | | | | |
| Anti-Röteln-IgM | | Avidität: hoch | | | | | | | |
| Anti-Röteln-IgM | | negativ | | | | | | | |
| Varizella Zoster Virus (Ak) Serum | 353 | B 2-konform | | Anti-VZV-IgG | 353029 | positiv | | abgelaufene VZV-Infektion (zwei gesunde Blutspender) | |
| | | | | Anti-VZV-IgM | | Avidität: hoch | | | |
| | | | | Anti-VZV-IgG | 353030 | positiv | | | abgelaufene VZV-Infektion (zwei gesunde Blutspender) |
| | | | Anti-VZV-IgM | Avidität: hoch | | | | | |
| Anti-VZV-IgM | negativ | | | | | | | | |

Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

Tabelle 2: Ringversuche Virusgenom-Nachweis - Juni 2017
Probeneigenschaften

| Ringversuch | Gruppe | RiliBÄK | Probe | Proben-Eigenschaften | | | | |
|--|--------|-------------------|----------|---|------------|---|------------------|------------------|
| | | | | qualitativ (Hinweis zum Geno-/Subtyp) | Verdünnung | Sollwert aller Methoden (vorläufige Werte) | | |
| | | | | | | Kopien/ml | IU/ml | |
| CMV (DNA) Plasma | 365 | B 3- pflichtig | 365113 | positiv | (a) | 1 : 100 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 365114 | negativ | | ---- | | |
| | | | 365115 | positiv | | 1 : 10 000 | | |
| | | | 365116 | positiv | (a) | 1 : 100 000 | | |
| EBV (DNA) Zell-Lysat | 376 | B 3- pflichtig | 376057 | positiv | (b) | 1 : 540 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 376058 | positiv | | 1 : 50 | | |
| | | | 376059 | negativ | | ----- | | |
| | | | 376060 | positiv | (b) | 1 : 20 | | |
| HAV (RNA) gespiktes Plasma | 377 | B 3- pflichtig | 377113 | negativ | | ----- | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 377114 | positiv | (c) | 1 : 8 000 | | |
| | | | 377115 | positiv | (c) | 1 : 16 000 | | |
| | | | 377116 | positiv | (c) | 1 : 4 000 | | |
| HBV (DNA) Plasma | 361 | B 3- pflichtig | 361113 | negativ | (d) | ----- | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 361114 | negativ | (d) | ----- | | |
| | | | 361115 | positiv | (e) | 1 : 2 000 | | |
| | | | 361116 | positiv | (e) | 1 : 400 | | |
| HCV (RNA) Plasma | 362 | B 3- pflichtig | 362113 | positiv (Subtyp 4a) | (f) | 1 : 400 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 362114 | positiv (Subtyp 1b) | | 1 : 300 | | |
| | | | 362115 | positiv (Subtyp 4a) | (f) | 1 : 40 | | |
| | | | 362116 | positiv (Subtyp 4a) | (f) | 1 : 1 265 | | |
| HEV (RNA) Serum* Stuhl- suspension** | 380 | B 3- konform | 380033** | negativ | | 1 : 20 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 380034** | positiv (Subtyp 3e) | | 1 : 310 | | |
| | | | 380035** | positiv (Subtyp 3c) | (g) | 1 : 1 000 | | |
| | | | 380036** | positiv (Subtyp 3c) | (g) | 1 : 100 | | |
| HIV-1 (RNA) gespiktes Plasma | 360 | B 3- pflichtig | 360113 | positiv (Gruppe M/ Subtyp F) | (h) | 1 : 16 000 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 360114 | positiv (Gruppe M/ Subtyp B) | | 1 : 1 600 000 | | |
| | | | 360115 | positiv (Gruppe M/ Subtyp F) | (h) | 1 : 64 000 | | |
| | | | 360116 | positiv (Gruppe M/ Subtyp F) | (h) | 1 : 1 000 | | |
| HIV-2 (RNA) gespiktes Plasma | 395 | B 3- konform | 395021 | positiv Stamm: ROD10 | (i) | 1 : 7.5 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 395022 | negativ | | ----- | | |
| | | | 395023 | positiv Stamm: EHO | | 1 : 90 | | |
| | | | 395024 | positiv Stamm: ROD10 | (i) | 1 : 75 | | |

a, b, c, e, f, g, h, i: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet.

Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

d: Für die jeweils markierten Proben wurde derselbe negative Plasmapool verwendet.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 2 (Forts.): Ringversuche Virusgenom-Nachweis - Juni 2017
Probeneigenschaften**

| Ringversuch | Gruppe | RiliBÄK | Probe | Proben-Eigenschaften | | | | |
|--|--------|-------------------|---------------------------------|---|------------|---|------------------|------------------|
| | | | | qualitativ (Hinweis zum Geno-/Subtyp) | Verdünnung | Sollwert aller Methoden (vorläufige Werte) | | |
| | | | | | | Kopien/ml | IU/ml | |
| HMPV (RNA) Zell-Lysat | 385 | B 3- konform | 385025 | positiv (Subtyp A) | | 1 : 320 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 385026 | positiv (Subtyp A) | (j) | 1 : 1 280 | | |
| | | | 385027 | positiv (Subtyp A) | (j) | 1 : 80 | | |
| | | | 385028 | negativ | | ----- | | |
| Masernvirus (RNA) FTA-Karten | 386 | B 3- konform | 386025 | positiv (Genotyp D8) | | 1 : 2 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 386026 | negativ | | ----- | | |
| | | | 386027 | positiv (Genotyp H1) | | 1 : 2 | | |
| | | | 386028 | positiv (Genotyp B3) | | 1 : 2 | | |
| Mumpsvirus (RNA) FTA-Karten | 387 | B 3- konform | 387021 [§] = 387024 | positiv (Genotyp G) | | 1 : 2 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 387022 | negativ | | ----- | | |
| | | | 387023 | positiv (Genotyp H) | | 1 : 2 | | |
| | | | 387024 [§] = 387021 | positiv (Genotyp G) | | 1 : 2 | | |
| Parvovirus B19 (DNA) Plasma | 367 | B 3- pflichtig | 367113 | positiv | (k) | 1 : 160 000 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 367114 | positiv | (k) | 1 : 640 000 | | |
| | | | 367115 | positiv | (k) | 1 : 10 000 | | |
| | | | 367116 | negativ | | ----- | | |
| Respiratory Syncytial Virus (Antigen/ Genom) Zell-Lysat | 359 | B 3- pflichtig | 359037 | positiv RSV B | | 1 : 50 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 359038 | positiv RSV A | | 1 : 100 | | |
| | | | 359039 | positiv RSV A | (l) | 1 : 75 | | |
| | | | 359040* | positiv* RSV A | (l) | 1 : 375 | | |
| Rötelnvirus (RNA) FTA-Karten | 389 | B 3- konform | 389021 | positiv (Genotyp 1E) | | 1 : 2 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 389022 | positiv (Genotyp 1A) | | 1 : 2 | | |
| | | | 389023 | negativ | | ----- | | |
| | | | 389024 | positiv (Genotyp 2B) | | 1 : 2 | | |
| VZV (DNA) Zell-Lysat | 366 | B 3- pflichtig | 366057 | positiv | (m) | 1 : 500 | Sollwerte folgen | Sollwerte folgen |
| | | | 366058 | positiv | (m) | 1 : 50 000 | | |
| | | | 366059 | negativ | | ----- | | |
| | | | 366060 | positiv | | 1 : 500 | | |

j, k, l, m: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

§ Die Proben 387021 und 387024 sind identisch.

* Für Probe 359040 (1 : 375 verdünnt) wird für die qualitative Untersuchung auf RSV-Antigen (Testkategorie 10) als Sollwerte zugelassen: positiv/fraglich.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 3: Ringversuche Virusgenom-Nachweis mit Typisierung
Juni 2017 - Probeneigenschaften**

| Ring- versuch | Grup- pe | RiliBÄK | Probe | Proben-Eigenschaften | | | |
|--|-------------|---------------------------|--------|----------------------|---|---------|---|
| | | | | qualitativ | Sollwert aller Methoden Kopien/ml | Spezies | Typ (Hinweis zur Verdünnung) |
| Adenoviren (DNA) Zell-Lysat | 371 | B 3- pflichtig | 371057 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | A | Adenovirus 31 1 : 10 000 verdünnt (n) |
| | | | 371058 | positiv | | C | Adenovirus 2 1 : 50 000 verdünnt (o) |
| | | | 371059 | positiv | | C | Adenovirus 2 1 : 150 000 verdünnt (o) |
| | | | 371060 | positiv | | A | Adenovirus 31 1 : 100 000 verdünnt (n) |
| Coronaviren (RNA) Zell-Lysat | 340 | <i>B 3- konform</i> | 340023 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | ---- | MERS-CoV 1 : 4 500 verdünnt |
| | | | 340024 | positiv | | ---- | CoV OC43 1 : 4 500 verdünnt (p) |
| | | | 340025 | negativ | | ---- | ---- |
| | | | 340026 | positiv | | ---- | CoV OC43 1 : 20 000 verdünnt |
| | | | 340027 | positiv | | ---- | CoV OC43 1 : 13 500 verdünnt (p) |
| | | | 340028 | positiv | | ---- | MERS-CoV 1 : 80 000 verdünnt |
| Enteroviren (RNA) Zell-Lysat | 372 | B 3- pflichtig | 372058 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | ---- | Coxsackievirus B4 1 : 1 000 verdünnt |
| | | | 372059 | negativ | | ---- | --- |
| | | | 372060 | positiv | | ---- | Echovirus 30 1 : 50 000 verdünnt |
| | | | 372061 | positiv | | ---- | Coxsackievirus A21 1 : 10 000 verdünnt |
| HSV-1/ HSV-2 (DNA) Zell-Lysat | 363 | B 3- pflichtig | 363085 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | ---- | HSV-1 1 : 25 000 verdünnt (q) |
| | | | 363086 | positiv | | ---- | HSV-1 1 : 400 000 verdünnt (q) |
| | | | 363087 | positiv | | ---- | HSV-2 1 : 1 000 verdünnt (r) |
| | | | 363088 | positiv | | ---- | HSV-2 1 : 16 000 verdünnt (r) |
| | | | 363089 | positiv | | ---- | HSV-1 1 : 100 000 verdünnt (q) |
| | | | 363090 | positiv | | ---- | HSV-2 1 : 4 000 verdünnt (r) |

n, o, p, q, r: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 3 (Forts.): Ringversuche Virusgenom-Nachweis mit Typisierung
Juni 2017 - Probeneigenschaften**

| Ring- versuch | Grup- pe | RiliBÄK | Probe | Proben-Eigenschaften | | | |
|--|-------------|---------------------------|----------|----------------------|---|---------|-----------------------------------|
| | | | | qualitativ | Sollwert aller Methoden Kopien/ml | Spezies | Typ (Hinweis zur Verdünnung) |
| Humane Papillomviren (DNA) Biopsie* Zell-Lysat** | 373 | B 3- pflichtig | 373071** | negativ | ---- | ---- | --- |
| | | | 373072** | High Risk positiv | ---- | ---- | HPV 18 1 : 50 verdünnt (s) |
| | | | 373073* | Low Risk positiv | ---- | ---- | HPV 6 1 : 80 verdünnt |
| | | | 373074** | High Risk positiv | ---- | ---- | HPV 18 1 : 25 verdünnt (s) |
| | | | 373075** | High Risk positiv | ---- | ---- | HPV 16 1 : 25 verdünnt |
| Humane Rhinoviren (RNA) Zell-Lysat | 393 | <i>B 3- konform</i> | 393017 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | ---- | HRV A Typ 49 1 : 500 verdünnt |
| | | | 393018 | positiv | | ---- | HRV A Typ 56 1 : 100 verdünnt |
| | | | 393019 | negativ | | ---- | ---- |
| | | | 393020 | positiv | | ---- | HRV A Typ 30 1 : 50 verdünnt |
| Rotaviren (RNA) Stuhl- suspension | 401 | <i>B 3- konform</i> | 401017 | positiv | <i>Sollwerte folgen</i> | ---- | G2P[4] 1 : 750 verdünnt (t) |
| | | | 401018 | positiv | | ---- | G4P[8] 1 : 820 verdünnt |
| | | | 401019 | positiv | | ---- | G2P[4] 1 : 75 000 verdünnt (t) |
| | | | 401020 | negativ | | ---- | ---- |

s, t: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültigen Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**