

Virologische Ringversuche November/Dezember 2015



Ringversuche geschlossen

Information zu Probeneigenschaften



IN STAND e.V.

in Zusammenarbeit mit:

Deutsche Vereinigung zur Bekämpfung der Viruskrankheiten (DVV)
Gesellschaft für Virologie (GfV)
Deutsche Gesellschaft für Hygiene und Mikrobiologie (DGHM)

Prof. Dr. Heinz Zeichhardt

Priv.-Doz. Dr. Oliver Donoso Mantke

Erstellt von:

IN STAND e.V.

Gesellschaft zur Förderung der Qualitätssicherung in medizinischen Laboratorien e.V.

Düsseldorf/Berlin, 22.12.2015

Ringversuchsleiter:

Univ.-Prof. i. R. Dr. Heinz Zeichhardt
Charité - Universitätsmedizin Berlin
Campus Benjamin Franklin, Institut für Virologie
Email: Heinz.Zeichhardt@charite.de

Korrespondenzadresse:

Prof. Dr. Heinz Zeichhardt
Institut für Qualitätssicherung in der Virusdiagnostik - IQVD
Potsdamer Chaussee 80, 14129 Berlin
Tel.: +49-(0)30-81054-300; Fax: +49-(0)30-81054-303
Email: Heinz.Zeichhardt@iqvd.de

Stellvertretender Ringversuchsleiter:

Priv.-Doz. Dr. Oliver Donoso Mantke
c/o INSTAND e.V.
Uwierstr. 20, 40223 Düsseldorf
Tel.: +49-(0)30-81054-305; Fax: +49-(0)30-81054-303
Email: donoso@instand-ev.de

Durchgeführt von:

INSTAND e.V.

Uwierstr. 20

40223 Düsseldorf

Tel.: +49 (0)211 - 1592 13 0

Fax: +49 (0)211 - 1592 1330

Email: instand@instand-ev.de

Internet: www.instand-ev.de

INSTAND-Ringversuche – November/Dezember 2015

Virusimmunologie Virusgenom-Nachweis-PCR/NAT

Information zu Probeneigenschaften

Sehr geehrte Frau Kollegin, sehr geehrter Herr Kollege,

Sie haben an einem oder mehreren der virologischen INSTAND-Ringversuche im November/Dezember 2015 teilgenommen.

Die INSTAND-Ringversuche – November/Dezember 2015 zur Virusimmunologie und zum Virusgenom-Nachweis-PCR/NAT sind mittlerweile geschlossen.

Bevor Sie die gewohnte Vorauswertung zusammen mit Teilnahmedokumenten (Zertifikat über die erfolgreiche Teilnahme, Teilnahmebescheinigung, individuelle Ergebnismitteilung) erhalten, möchten wir Ihnen schon heute Informationen zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen - vor allem zu den Probeneigenschaften - zusenden.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu
den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

Für Rückfragen stehen wir Ihnen gerne zur Verfügung.

Vielen Dank für Ihre Kooperation

Prof. Dr. H. Zeichhardt

Priv.-Doz. Dr. O. Donoso Mantke

**Tabelle 1: Ringversuche Virusimmunologie - November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Analyt	Probe	Proben-Eigenschaften		
					qualitativ	Verdünnung	Probenherkunft
Cytomegalievirus (Ak) Serum	351	B 2-konform	Anti-CMV-IgG	351045	positiv Avidität: niedrig	1 : 5	frische CMV-Infektion
			Anti-CMV-IgM		positiv		
			Anti-CMV-IgG	351046	positiv Avidität: hoch		alte CMV-Infektion (zwei gesunde Blutspender)
			Anti-CMV-IgM		negativ		
Epstein Barr Virus (Ak) Serum	352	B 2-konform	Anti-EBV-IgG	352023 = 352024	<i>Die Sollwerte werden für beide Proben in dem detaillierten Bericht mitgeteilt.</i>		abgelaufene EBV-Infektion (vier gesunde Blutspender)
			Anti-EBV-IgM				
			Anti-EBV-IgG	352024 = 352023			
			Anti-EBV-IgM				
FSME-Virus (Ak) Serum	358	B 2-konform	Anti-FSME-IgG	358023	negativ Avidität: keine Avidität		negativer Blutspender
			Anti-FSME-IgM		negativ		
			Anti-FSME-IgG	358024	positiv Avidität: hoch		zurückliegende FSME-Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender)
			Anti-FSME-IgM		negativ		
Hepatitis A Virus (Ak) Serum	343	B 2-pflichtig	Anti-HAV	343089	negativ <i>Sollwertbereich folgt</i>		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HAV	343090	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>		
			Anti-HAV-IgM	343091	positiv	1 : 10	akute Hepatitis A-Infektion
			Anti-HAV-IgM	343092	negativ		negative Blutspender (Pool)
Hepatitis B Virus (Prog. 1) (HBsAg Anti-HBs Anti-HBc) Serum	344	B 3-pflichtig	HBsAg	344265	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(a) 1 : 750	chronische Hepatitis B
			HBsAg	344266	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(a) 1 : 3 000	
			HBsAg	344267	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(a) 1 : 1 500	
			HBsAg	344268	negativ <i>Sollwertbereich folgt</i>		negative Blutspender (Pool)
		B 2-pflichtig	Anti-HBs	344269	negativ <i>Sollwertbereich folgt</i>		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HBs	344270	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(b) 1 : 800	Anti-HBs positiver gesunder Blutspender
			Anti-HBs	344271	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(b) 1 : 200	
			Anti-HBs	344272	positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>	(b) 1 : 400	
		B 2-pflichtig	Anti-HBc	344273	positiv	(c) 1 : 2 400	chronische Hepatitis B (HBeAg negativ; Anti-HBc-IgM negativ)
			Anti-HBc	344274	positiv	(c) 1 : 600	
			Anti-HBc	344275	negativ		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HBc	344276	positiv	(c) 1 : 1 200	chronische Hepatitis B (HBeAg negativ; Anti-HBc-IgM negativ)

a, b, c: Für die angegebenen Verdünnungen der entsprechenden Proben wurde jeweils dasselbe Ausgangsmaterial verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 1 (Forts.): Ringversuche Virusimmunologie - November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Analyt	Probe	Proben-Eigenschaften		
					qualitativ	Verdünnung	Probenherkunft
Hepatitis B Virus (Prog. 2) (Anti-HBc-IgM HBeAg Anti-HBe) Serum	345	B 2-pflichtig	Anti-HBc-IgM	345133	negativ		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HBc-IgM	345134	positiv	1 : 110	akute Hepatitis B-Infektion
		B 3-pflichtig	HBeAg	345135	negativ		negative Blutspender (Pool)
			HBeAg	345136	positiv	1 : 670	chronische Hepatitis B
		B 2-pflichtig	Anti-HBe	345137	negativ		negative Blutspender (Pool)
Anti-HBe	345138		positiv	1 : 135	chronische Hepatitis B (HBeAg negativ)		
Hepatitis C Virus (Ak und HCV-Ag) Serum* Plasma**	346	B 2-pflichtig	Anti-HCV HCV-Antigen	346089*	positiv negativ	1 : 8.2	Zustand nach chronischer Hepatitis C (erfolgreich therapiert)
			Anti-HCV HCV-Antigen	346090**	positiv positiv	(d) 1 : 60	chronische Hepatitis C
		B 3-pflichtig	Anti-HCV HCV-Antigen	346091*	negativ negativ		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HCV HCV-Antigen	346092**	positiv positiv	(d) 1 : 30	chronische Hepatitis C
Hepatitis D Virus (Ak) Serum	347	<i>B 2-konform</i>	Anti-HDV-IgG Anti-HDV-IgM	347023	negativ nicht bewertet		negativer Blutspender
			Anti-HDV-IgG Anti-HDV-IgM	347024	positiv nicht bewertet	1 : 400	chronische Hepatitis D-Infektion
Hepatitis E Virus (Ak) Serum	348	<i>B 2-konform</i>	Anti-HEV-IgG Anti-HEV-IgM	348023	positiv negativ		alte Hepatitis E-Infektion
			Anti-HEV-IgG Anti-HEV-IgM	348024	negativ negativ		negativer Blutspender
Herpes simplex Viren (Ak) Serum	354	<i>B 2-konform</i>	Anti-HSV-IgG Anti-HSV-IgM	354023	positiv negativ		abgelaufene HSV-1-Infektion (ein gesunder Blutspender)
			Anti-HSV-IgG Anti-HSV-IgM	354024	positiv negativ		abgelaufene HSV-1-Infektion (zwei gesunde Blutspender)
HIV-1/ HIV-2 (Ak) Serum	335	B 2-pflichtig	Anti-HIV-1	335089	positiv	(e) 1 : 75	HIV-1-Infektion
			Anti-HIV-1/2	335090	negativ		negative Blutspender (Pool)
			Anti-HIV-1	335091	positiv	1 : 150	HIV-1-Infektion
			Anti-HIV-1	335092	positiv	(e) 1 : 150	HIV-1-Infektion
HIV-1 p24 Ag Serum	337	B 3-pflichtig	p24 Ag	337045	positiv	1 : 38 000	HIV-1-Infektion (gespikter Serumpool von negativen Blutspendern; HIV-1 hitzeinaktiviert)
			p24 Ag	337046	negativ		negative Blutspender (Pool)

d, e: Für die angegebenen Verdünnungen der entsprechenden Proben wurde jeweils dasselbe Ausgangsmaterial verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 1 (Forts.): Ringversuche Virusimmunologie - November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Analyt	Probe	Proben-Eigenschaften		
					qualitativ	Verdünnung	Probenherkunft
HTLV-1/ HTLV-2 (Ak) Serum* Plasma**	339	B 2- konform	Anti-HTLV-2	339021**	positiv	1 : 4	HTLV-2-Infektion**
			Anti-HTLV-1/2	339022*	negativ		negativer Blutspender*
			Anti-HTLV-1	339023*	positiv	1 : 150	HTLV-1-Infektion*
			Anti-HTLV-2	339024**	positiv	1 : 4	HTLV-2-Infektion**
Masernvirus (Ak) Serum	357	B 2- konform	Anti-Masern-IgG	357023	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Masern- Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender)
			Anti-Masern-IgM		negativ		
			Anti-Masern-IgG	357024	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Masern- Infektion/Impfung (zwei gesunde Blutspender)
Mumpsvirus (Ak) Serum	356	B 2- konform	Anti-Mumps-IgG	356023	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Mumps- Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender)
			Anti-Mumps-IgM		negativ		
			Anti-Mumps-IgG	356024	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Mumps- Infektion/Impfung (ein gesunder Blutspender)
Parvovirus B19 (Ak) Serum* Plasma**	342	B 2- konform	Anti-Parvo B19-IgG	342045*	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Parvo B19- Infektion (gesunder Blutspender)*
			Anti-Parvo B19-IgM		negativ		
			Anti-Parvo B19-IgG	342046*	negativ Avidität: keine Avidität		negativer Blutspender*
			Anti-Parvo B19-IgM		negativ		
			Anti-Parvo B19-IgG	342047*	positiv Avidität: hoch.		zurückliegende Parvo B19- Infektion (gesunder Blutspender)*
			Anti-Parvo B19-IgM		negativ		
			Anti-Parvo B19-IgG	342048*	positiv Avidität: hoch		zurückliegende Parvo B19- Infektion (gesunder Blutspender)*
Rötelnvirus (Ak) Serum	341	B 2- pflichtig	Titer HHT / HiG	341023 = 341024	<i>Sollwertbereich folgt</i>		zurückliegende Röteln- Infektion/Impfung (Pool gesunder Blutspender)
			Anti-Röteln-IgG		positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>		
			Anti-Röteln-IgM		Avidität: hoch negativ		
			Titer HHT / HiG	341024 = 341023	<i>Sollwertbereich folgt</i>		
			Anti-Röteln-IgG		positiv <i>Sollwertbereich folgt</i>		
			Anti-Röteln-IgM		Avidität: hoch negativ		
Varizella Zoster Virus (Ak) Serum	353	B 2- konform	Anti-VZV-IgG	353023	positiv Avidität: hoch		abgelaufene VZV-Infektion (zwei gesunde Blutspender)
			Anti-VZV-IgM		negativ		
			Anti-VZV-IgG	353024	positiv Avidität: hoch		abgelaufene VZV-Infektion (zwei gesunde Blutspender)
			Anti-VZV-IgM		negativ		

Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.

**Tabelle 2: Ringversuche Virusgenom-Nachweis - November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Probe	Proben-Eigenschaften			
				qualitativ (Hinweis zum Geno-/Subtyp)	Verdünnung	Sollwert aller Methoden (vorläufige Werte)	
						Kopien/ml	IU/ml
CMV (DNA) Plasma	365	B 3- pflichtig	365089	positiv	(a) 1 : 10 000	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			365090	negativ	-----		
			365091	positiv	(a) 1 : 5 000		
			365092	positiv	1 : 10 000		
EBV (DNA) Zell-Lysate	376	B 3- pflichtig	376045	negativ	-----	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			376046	positiv	(b) 1 : 800		
			376047	positiv	(b) 1 : 100		
			376048	positiv	(b) 1 : 400		
HAV (RNA) gespiktes Plasma	377	B 3- pflichtig	377089	positiv	(c) 1 : 1 250	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			377090	negativ	-----		
			377091	positiv	(c) 1 : 10 000		
			377092	positiv	(c) 1 : 5 000		
HBV (DNA) Plasma	361	B 3- pflichtig	361089	positiv	(d) 1 : 5 000	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			361090	negativ	-----		
			361091	positiv	(d) 1 : 125 000		
			361092	positiv	(d) 1 : 25 000		
HCV (RNA) Plasma	362	B 3- pflichtig	362089	positiv (Subtyp 3a)	(e) 1 : 100	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			362090	positiv (Subtyp 1b)	1 : 3 200		
			362091	positiv (Subtyp 3a)	(e) 1 : 200		
			362092	negativ	-----		
HEV (RNA) Serum* Stuhl- suspension**	380	<i>B 3- konform</i>	380021**	positiv	1 : 1 000	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			380022*= 380023	negativ	-----		
			380023*= 380022	negativ	-----		
			380024*	positiv	1 : 28		
HIV-1 (RNA) gespiktes Plasma	360	B 3- pflichtig	360089	positiv	1 : 7	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			360090	negativ	-----		
			360091	positiv (Subtyp B)	1 : 120 000 000		
			360092	positiv (Subtyp B)	1 : 100		
HIV-2 (RNA) gespiktes Plasma	395	<i>B 3- konform</i>	395009	positiv	(f) 1 : 9	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			395010	negativ	-----		
			395011	positiv	1 : 9		
			395012	positiv	(f) 1 : 90		
HMPV (RNA) Zell-Lysate	385	<i>B 3- konform</i>	385013	positiv (Subtyp A)	1 : 10 000	<i>Sollwerte folgen</i>	<i>Sollwerte folgen</i>
			385014	positiv (Subtyp A)	(g) 1 : 64		
			385015	positiv (Subtyp A)	(g) 1 : 1 600		
			385016	negativ	-----		

a, b, c, d, e, f, g: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet.

Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 2 (Forts.): Ringversuche Virusgenom-Nachweis - November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ring- versuch	Grup- pe	RiliBÄK	Probe	Proben-Eigenschaften			
				qualitativ (Hinweis zum Geno-/Subtyp)	Ver- dünnung	Sollwert aller Methoden (vorläufige Werte)	
						Kopien/ml	IU/ml
Masernvirus (RNA) FTA-Karten	386	B 3- konform	386013	positiv (Genotyp D4)	unverdünnt	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			386014	negativ	unverdünnt		
			386015	positiv (Genotyp D8)	unverdünnt		
			386016	positiv (Genotyp B3)	unverdünnt		
Mumpsvirus (RNA) FTA-Karten	387	B 3- konform	387009	positiv (Genotyp F)	unverdünnt	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			387010= 387012	negativ	unverdünnt		
			387011	positiv (Genotyp G)	unverdünnt		
			387012= 387010	negativ	unverdünnt		
Parvovirus B19 (DNA) Plasma	367	B 3- pflichtig	367089= 367092	negativ	-----	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			367090	positiv	(h) 1 : 900 000		
			367091	positiv	(h) 1 : 100 000		
			367092= 367089	negativ	-----		
Respiratory Syncytial Virus (Antigen/ Genom) Zell-Lysate	359	B 3- pflichtig	359025	negativ	-----	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			359026	positiv RSV A	1 : 40		
			359027	positiv RSV B	(i) 1 : 30		
			359028	positiv RSV B	(i) 1 : 15		
Rötelnvirus (RNA) FTA-Karten	389	B 3- konform	389009= 389010	positiv (Genotyp 2B)	unverdünnt	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			389010= 389009	positiv (Genotyp 2B)	unverdünnt		
			389011	negativ	unverdünnt		
			389012	positiv (Genotyp 1G)	unverdünnt		
VZV (DNA) Zell-Lysate	366	B 3- pflichtig	366045	positiv	1 : 400	Sollwerte folgen	Sollwerte folgen
			366046	negativ	-----		
			366047	positiv	(j) 1 : 1 000		
			366048	positiv	(j) 1 : 125		

h, i, j: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen
Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 3: Ringversuche Virusgenom-Nachweis mit Typisierung
November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Probe	Proben-Eigenschaften			
				qualitativ	Sollwert aller Methoden Kopien/ml	Spezies	Typ (Hinweis zur Verdünnung)
Adenoviren (DNA) Zell-Lysate	371	B 3-pflichtig	371045	positiv	Sollwerte folgen	D	Adenovirus 37 1 : 5 000 verdünnt (k)
			371046	positiv		C	Adenovirus 2 1 : 100 000 verdünnt
			371047	negativ		----	---
			371048	positiv		D	Adenovirus 37 1 : 500 000 verdünnt (k)
Coronaviren (RNA) Zell-Lysate	340	B 3-konform	340006	positiv	Sollwerte folgen	----	MERS-CoV 1 : 1 000 verdünnt (l)
			340007	positiv		----	MERS-CoV 1 : 100 verdünnt (l)
			340008	negativ		----	---
			340009	positiv		----	CoV OC43 1 : 1 000 verdünnt (m)
			340010	positiv		----	CoV OC43 1 : 10 000 verdünnt (m)
Enteroviren (RNA) Zell-Lysate	372	B 3-pflichtig	372046	positiv	Sollwerte folgen	----	Enterovirus 68 1 : 1000 verdünnt
			372047	positiv		----	Echovirus 30 1 : 100 000 verdünnt
			372048	negativ		----	---
			372049	positiv		----	Echovirus 7 1 : 400 verdünnt
HSV-1/ HSV-2 (DNA) Zell-Lysate	363	B 3-pflichtig	363067	positiv	Sollwerte folgen	----	HSV-2 1 : 900 verdünnt (n)
			363068	positiv		----	HSV-1 1 : 152 000 verdünnt (o)
			363069	negativ		----	----
			363070	positiv		----	HSV-2 1 : 1 800 verdünnt (n)
			363071	positiv		----	HSV-1 1 : 19 000 verdünnt (o)
			363072	positiv		----	HSV-1 1 : 15 000 verdünnt
Humane Papillomviren (DNA) Zell-Lysate	373	B 3-pflichtig	373056= 373059	High Risk positiv	----	----	HPV 18 1 : 40 verdünnt (p)
			373057	High Risk positiv	----	----	HPV 18 1 : 20 verdünnt (p)
			373058	High Risk positiv	----	----	HPV 16 1 : 4 verdünnt
			373059= 373056	High Risk positiv	----	----	HPV 18 1 : 40 verdünnt (p)
			373060	negativ	----	----	---

k, l, m, n, o, p: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet.

Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

**Bitte beachten Sie, dass Angaben zu
- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
- endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 3 (Forts.): Ringversuche Virusgenom-Nachweis mit Typisierung
November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ring-versuch	Grup-pe	RiliBÄK	Probe	Proben-Eigenschaften			
				qualitativ	Sollwert aller Methoden Kopien/ml	Spezies	Typ (Hinweis zur Verdünnung)
Humane Rhinoviren (RNA) Zell-Lysate	393	B 3-konform	393005	positiv	<i>Sollwerte folgen</i>	----	HRV A Typ 49 1 : 100 verdünnt
			393006	positiv		----	HRV A Typ 30 1 : 100 verdünnt
			393007	negativ		----	----
			393008	positiv		----	HRV A Typ 56 1 : 10 verdünnt
Norovirus (RNA) Stuhl-suspension	381	B 3-konform	381021	positiv	<i>Sollwerte folgen</i>	----	Genogruppe I 1 : 980 verdünnt
			381022	positiv		----	Genogruppe II 1 : 200 verdünnt
			381023	positiv		----	Genogruppe II 1 : 220 verdünnt
			381024	negativ		----	1 : 200 verdünnt
Rotaviren (RNA) Stuhl-suspension	401	B 3-konform	401005	positiv	<i>Sollwerte folgen</i>	----	G2P[4] 1 : 100 000 verdünnt (q)
			401006	positiv		----	G2P[4] 1 : 100 verdünnt (q)
			401007	negativ		----	1 : 20 verdünnt
			401008	positiv		----	G2P[4] 1 : 10 000 verdünnt (q)

q: Für die jeweils markierten Proben wurden die entsprechenden Ausgangsmaterialien in einer Verdünnungsreihe verwendet. Nicht-markierte Proben stammen aus unabhängigen Ansätzen.

Bitte beachten Sie, dass Angaben zu

- Sollwerten/Sollwertbereichen für quantitative Ergebnisangaben und
 - endgültige Bewertungen der einzelnen Ringversuchsproben
- erst der demnächst versendeten Vorauswertung, den Teilnahmedokumenten sowie den Berichten zu den einzelnen Ringversuchsprogrammen entnommen werden können.**

**Tabelle 3 (Forts.): Ringversuche Virusgenom-Nachweis mit Typisierung
November/Dezember 2015
Probeneigenschaften**

Ringversuch	Gruppe	RiliBÄK	Probe	Proben-Eigenschaften und mit "richtig" bewertete Ergebnisse (Sollwerte)		
				Typ/Subtyp	Stamm	Herkunft
Influenza A- und B-Viren* inklusive Influenza A(H1N1) pdm09-Virus und aviäres Influenza A-Virus (diverse Subtypen) (Genom/Antigen)	370*	B 3-pflichtig	370065	positiv für saisonales Influenza B-Virus	B/Brisbane/60/2008 (Impfstamm)	infizierte MDCK-Zellen (Lysat) (1 : 15 verdünnt)
			370066	positiv für saisonales Influenza A(H3N2)-Virus	A/Switzerland/9715293/2013 (Impfstamm)	infizierte MDCK-Zellen (Lysat) (1 : 320 verdünnt)
			370067	positiv für saisonales Influenza B-Virus	B/Phuket/3073/2013 (Impfstamm)	infizierte MDCK-Zellen (Lysat) (1 : 160 verdünnt)
			370068	positiv für Influenza A(H1N1) pdm09-Virus (für Schnellteste zum Nachweis von Influenza A-Virus-Antigen wird zugelassen: positiv / grenzwertig) [§]	A/California/7/2009 (Impfstamm)	infizierte MDCK-Zellen (Lysat) (1 : 60 verdünnt)
			370069	negativ	-----	nicht infizierte MDCK-Zellen (Lysat)
			370070	positiv für aviäres Influenza A(H5N8)-Virus (für Schnellteste zum Nachweis von Influenza A-Virus-Antigen wird zugelassen: positiv / grenzwertig) [§]	A/Turkey/Germany/R2485-86/2014	Allantoisflüssigkeit (inaktiviert) (1 : 160 verdünnt)

* Das Ringversuchsprogramm Influenza A- und B-Viren inklusive Influenza A(H1N1) pdm09-Virus und aviäres Influenza A-Virus (diverse Subtypen) wird durchgeführt in Kooperation mit dem Nationalen Referenzzentrum für Influenza, Robert Koch-Institut, Berlin, Dr. Brunhilde Schweiger und dem Nationalen Referenzlabor für Aviäre Influenza, Bundesforschungsinstitut für Tiergesundheit, Friedrich-Loeffler-Institut, Insel Riems, PD Dr. Timm C. Harder.

§ Für die Proben 370068 und 370070 wurde in der Testkategorie 30 (Antigennachweis von Influenza A) die Ergebnisangabe "grenzwertig" zusätzlich als "richtiges" Ergebnis berücksichtigt. Die Angabe "grenzwertig" stellt sicher, dass diese positiven Proben bei Anwendung von Schnelltesten zum Antigennachweis nicht als "negativ" fehlbestimmt worden wären.